

Classificação do vírus HIV

Aluna: Mina Cintho

Orientador: João Eduardo Ferreira

Introdução

Computação e Biologia → Grande volume
de dados

Exemplos:

Sequenciamento de n úcleotídeos

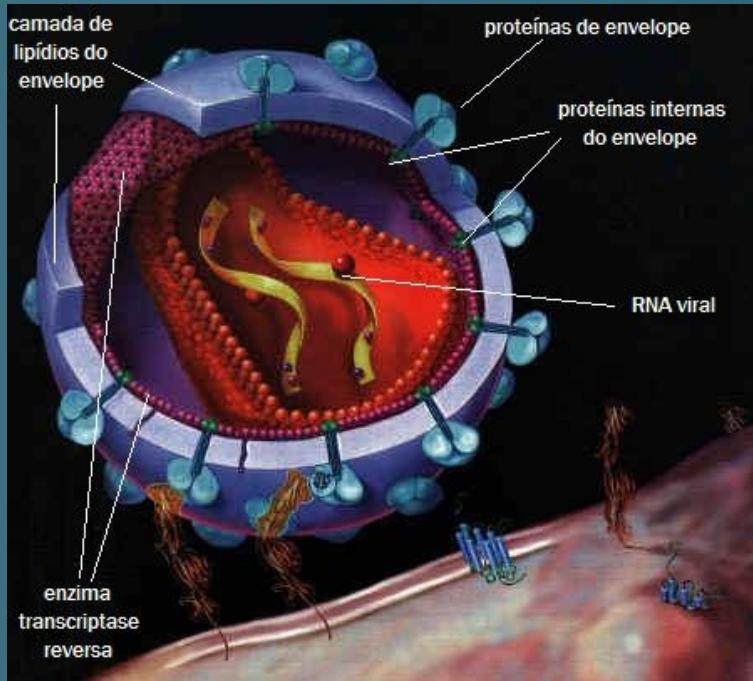
Sequenciamento de proteínas

Introdução

Análise de dados → Informação

Introdução

Exemplo: HIV Protease e Transcriptase Reversa



Replicação do vírus

http://insightpublicidade.files.wordpress.com/2008/04/hiv_virus.jpg

Introdução

Proteínas relacionadas à resistência
a drogas

Decisões de tratamentos

Experiência de especialistas

Objetivo

Métodos de Classificação



Classificação automática



Decisão sobre tratamentos

Proposta

13.000 dados

K-médias

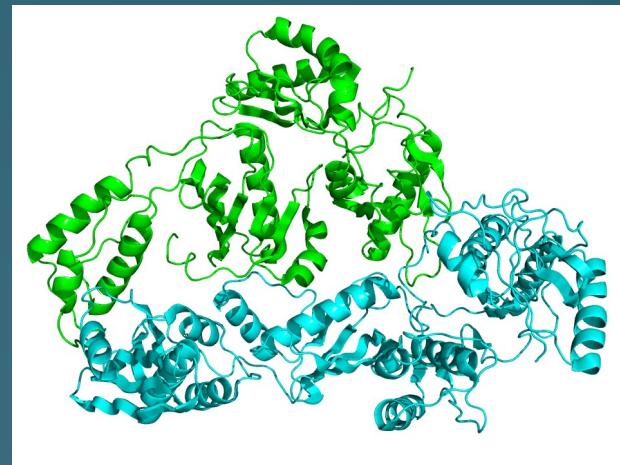
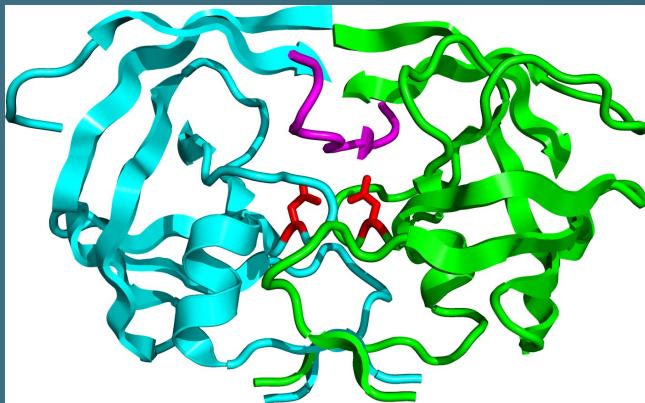
Vizinho Mais Próximo

Fundamentos Biológicos

Mutacões

Propagação das mutações

Alteração das proteínas



Fonte: Wikipedia

http://en.wikipedia.org/wiki/File:HIV_protease_1EBY.png

http://en.wikipedia.org/wiki/File:Reverse_Transcriptase_1HMV.png

Fundamentos de Reconhecimento de Padrões

Agrupamento por similaridades:

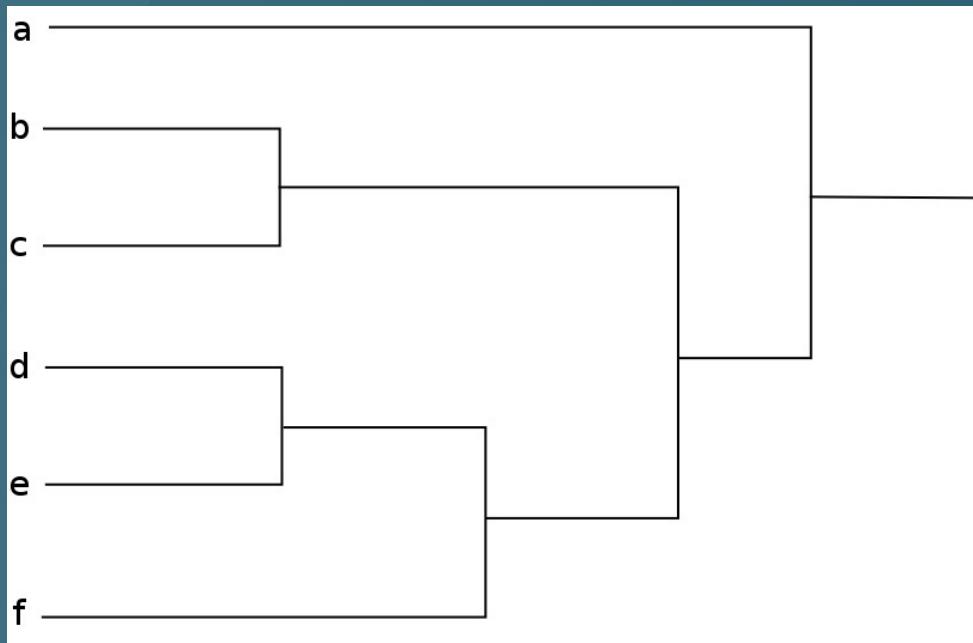
Coeficientes de correlação

Medidas de associação

Distância

Fundamentos de Reconhecimento de Padrões

Métodos Hierárquicos



Fundamentos de Reconhecimento de Padrões

Métodos Hierárquicos:

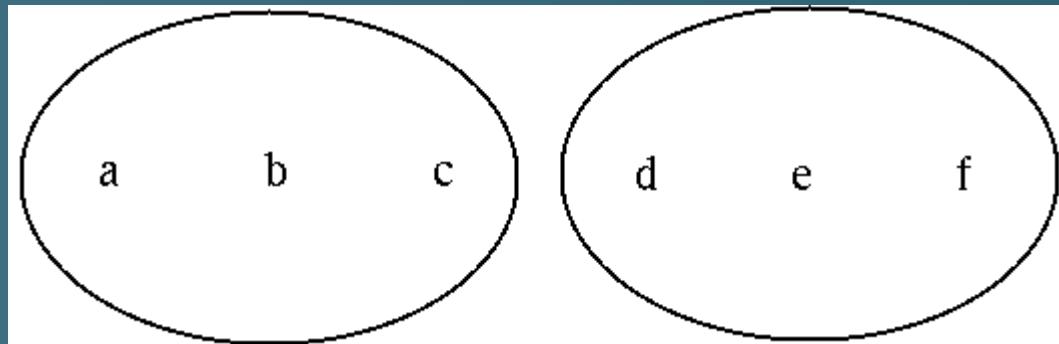
Vizinho Mais Próximo

Vizinho Mais Distante

Ligaçāo Média Não Ponderada

Métodos Não-Hierárquicos:

K-Médias



Atividades Realizadas

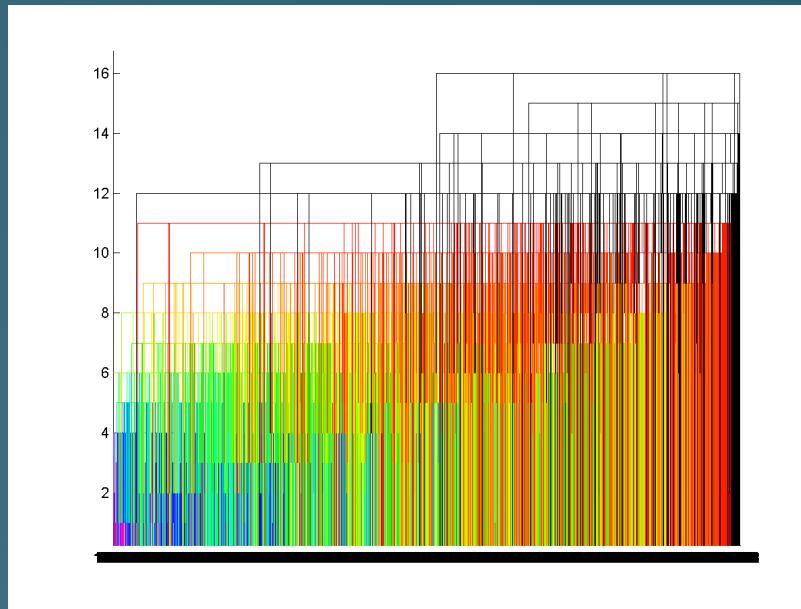
Dados em Representação Binária

Medida de Dissimilaridade

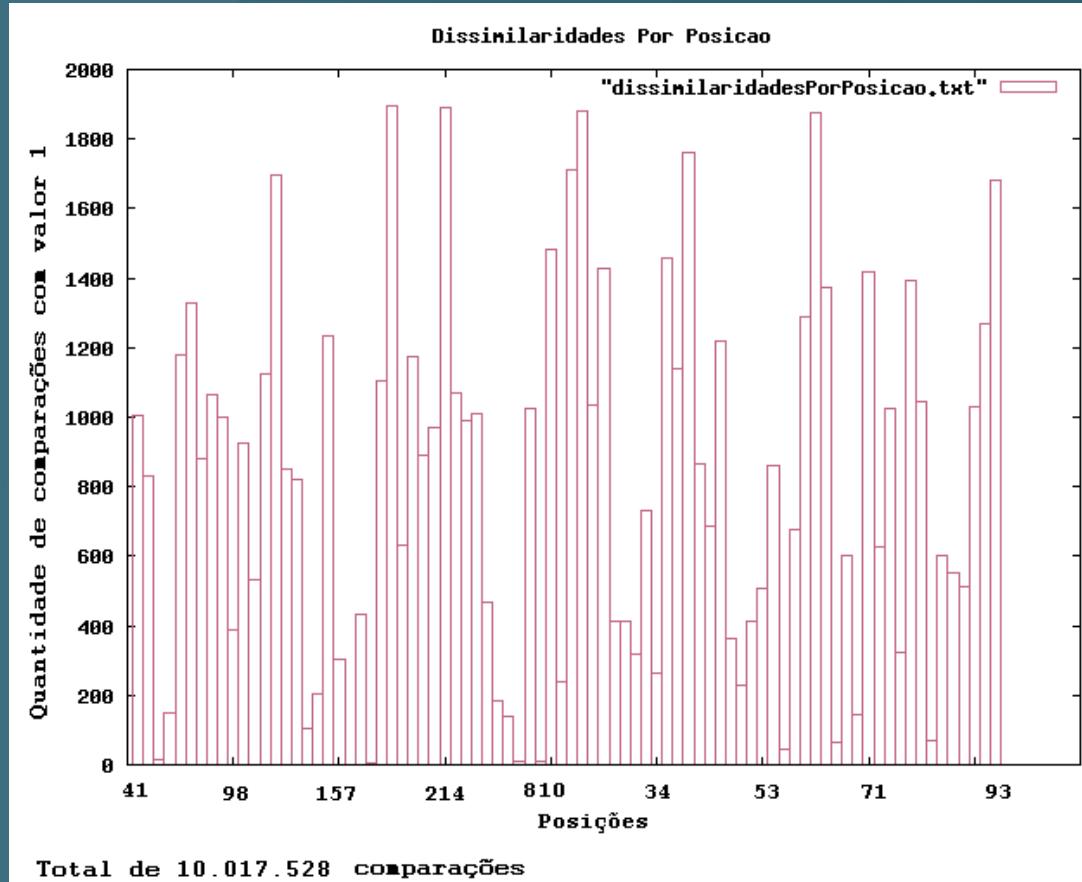
Atividades Realizadas

Vizinho Mais Próximo: MST

Dendrograma



Atividades Realizadas



Atividades Realizadas

K-Médias:

Escolha dos Centróides

Resultados do Vizinho Mais Próximo

Especialista

Conclusão

Outliers

Diferentes pesos

Outras medidas de dissimilaridades

Outros métodos

Referências Bibliográficas

- [1] Jain, A. K., Murty, M. N., and Flynn, P. J., Data clustering: A review, ACM Computing Surveys 31, 264–323 (1999).
- [2] Johnson, R.A., Wichern, D.W. (1982). Applied multivariate statistical analysis. Englewood Cliffs, NJ: Prentice-Hall.
- [3] The MathWorks, Inc., MATLAB 4.2, 24 Prime Park Way, Natick MA.
- [4] Jain, A. K., Murty, M. N., and Flynn, P. J., \textbf{Data clustering: A review}, ACM Computing Surveys 31, 264–323 (1999).
- [5] Laeyendecker O, Li X, Arroyo M, McCutchan F et al.(2006) \textbf{The Effect of HIV Subtype on Rapid Disease Progression in Rakai}, 13th Conference on Retroviruses and Opportunistic Infections Uganda,(abstract no. 44LB),