

Proposta para Trabalho de Conclusão de Curso

Nome do Aluno: Xieli Zhaofu

Nome do Supervisor: Eduardo Jordão Neves

➤ Tema da Monografia:

Classificadores de arvores baseados em dados de expressão gênica ao ambiente do projeto MAIGES

➤ Resumo da Monografia:

Microarray é uma nova tecnologia usada nas pesquisas de bioinformática e medicina para medir expressão gênica em larga escala. Maiges Pack fornece um ambiente computacional para explorar nova tecnologia nas pesquisas de bioinformática e medicina.

O tópico desse T.C.C. é adaptar a implementação do projeto R de classificadores de arvores (como CART) baseados em dados de expressão gênica ao ambiente do projeto Maiges.

➤ Objetivo do Trabalho:

Maiges Pack é desenvolvido pelo Gustavo Henrique Esteves, e o objetivo do trabalho é oferecer classificadores a esse ambiente.

➤ Atividades já Realizadas:

Pesquisas e estudos sobre cDNA Microarray.

➤ Cronograma de Atividades:

1 de Julho:	Início do Projeto
1 de Agosto:	Rascunho da Monografia
17 de Novembro:	Entrega do Poster
1 de Dezembro:	Entrega da Monografia e do Projeto

➤ Estrutura Esperada da Monografia:

Terá duas seções: Uma é de seção técnica que conterà os conceitos utilizados para a implementação. A outra conterà uma visão pessoal sobre as relações entre o curso do B.C.C. e o projeto.